

子宮体がんの統合的ゲノム解析による病態解明を目指した 多機関共同観察研究

1. 研究の対象

- 1) 2006 年 11 月～2022 年 3 月に順天堂大学医学部附属順天堂医院産科婦人科で手術治療を受けた患者のうち包括的同意が得られている患者。
- 2) 2010 年 1 月～2022 年 3 月に東京大学医学部附属病院産婦人科で手術治療を受けた患者のうち、「①子宮体癌・子宮肉腫及び子宮内膜増殖症の発生及び予後決定に関わる分子生物学的異常の検索 ②子宮内膜症の発生ならびに悪性転化、卵巣癌・卵管癌・腹膜癌・子宮頸癌、その他婦人科臓器に発生する悪性腫瘍の発症に関連する分子生物学的異常の検索」研究（審査番号 G0683）に参加した患者。
- 3) 2012 年 1 月～2015 年 12 月までに国立がん研究センター中央病院で手術治療を受けた子宮体がんの患者のうち包括的同意が得られている患者。
- 4) 国立がん研究センター研究所において実施された「悪性腫瘍のゲノム・エピゲノム解析による病態解明（2015-202）」研究において解析された子宮体癌・子宮頸癌・卵巣癌・大腸癌の解析データのうち、試料提供元において本研究への参加の情報を公開されたもの。

2. 研究目的・方法

子宮がんの診断および治療の際に採取された臨床試料を用いて網羅的ゲノム解析・エピゲノム解析・発現解析を行い、子宮がんにおける具体的な発がん機構を解明することを目指します。診療余剰組織検体などの既存の試料から DNA や RNA を抽出し次世代シーケンサーなど様々な方法を用いて遺伝子の変異や発現、ゲノムコピー数解析などの網羅的な解析を、当センターまたは共同研究機関にて行います。子宮がんと比較するために、卵巣癌・大腸癌の診断および治療の際に採取された臨床試料も用いて同様の解析を行います。がん細胞が持つ遺伝子異常を対象に研究を行い、重要なマーカーについては、免疫組織化学染色解析、in-situ hybridization (FISH を含む)、PCR によるがん検体及びその他の対照臓器、末梢血、骨髓血、体腔液における遺伝子 (RNA、タンパク質を含む) 発現、遺伝子転座、及び局在解析を行います。また、これらのマーカーを用いた臨床病理学的解析を行います。本研究において実際に子宮がんの原因となる遺伝子変異を同定することにより、悪性腫瘍の医療において有効な分子診断法及び分子標的治療法の開発につながることを期待されます。この研究は、千葉県がんセンター倫理審査委員会で承認され、各参加施設長により実施が許可されています。研究実施期間は研究許可日から 2027 年 3 月 31 日までを予定しております。

3. 研究に用いる試料・情報の種類

カルテ等の診療情報(年齢、性別、治療に用いた薬剤、腫瘍の病理診断、治療経過など)ならびに検査や手術で採取した血液成分や検査時に摘出した腫瘍組織などの標本を用います。解析に必要な最低限の情報を用いることとし、患者氏名や住所など直ちに個人の特特定に繋がる情報を用いることはありません。これらの情報や試料は直ちに個人の特特定につながらないような任意の登録番号により管理し、個人を特定するような解析は行いません。

4. 外部への試料・情報の提供

腫瘍組織から抽出した DNA や RNA の一部は外部の解析委託機関において解析します。その場合に診療情報を外部の施設へ提供することはありません。外部で得られた解析結果に関して、診療情報等を加味した詳細な解析については、当センター研究所・細胞治療開発研究部および共同研究機関において行います。個人が特定されるような情報は各検体採取施設で保管し、その他の共同研究施設とは共有致しません。

得られた研究成果は論文の形式で発表するとともに、国内外の研究者と貴重なデータを共有するために公共データベースへの登録により公開いたしますが、個人が特定されない形での公表を行います。ゲノムデータの公開に関しては、自由なアクセスが可能な公開データベースへの登録は、体細胞変異情報及び個人が特定されないような集団での頻度などの集計された形での胚細胞情報とし、個人毎のゲノムデータ等は制限公開データとし、科学的観点と研究体制の妥当性に関する審査を経た上で、データの利用を承認された研究者に利用されます。登録されたデータは日本国内の研究機関に所属する研究者だけではなく、製薬企業等の民間企業や外国にある研究機関に所属する研究者もデータを利用する可能性があります。将来、どの国の研究者から利用されるか、現時点ではわかりませんが、どの国の研究者に対しても、国内法令に沿って作成されたデータベースのガイドランに準じた利用が求められます。同意を撤回された際、既に公的データベースから個人毎のデータが公開されている場合、原則、あなたのデータをデータベースから削除し、その後の研究に提供しないようにデータベース側に要請します。ただし、あなたのデータを特定できない場合は破棄できない可能性があります。

解析委託機関

タカラバイオ株式会社

〒525-0058 滋賀県草津市野路東 7-4-38

株式会社マクロジェン・ジャパン

〒135-0064 東京都江東区青海 2-4-32 タイム 24 ビル 16F

かずさ DNA 研究所

〒292-0818 千葉県木更津市かずさ鎌足 2-6-7

5. 研究組織

研究に参加する共同研究機関およびその責任者は下記リストの通りです。

国立がん研究センター中央病院・婦人腫瘍科・医長 宇野雅哉

東京大学医学部附属病院・ゲノム診療部・部長 織田克利

順天堂大学医学部附属順天堂医院・産科・婦人科・教授 寺尾泰久

千葉県がんセンター・研究所・細胞治療開発研究部・部長 河津正人

国立遺伝学研究所・比較ゲノム解析研究室・特任教授 豊田 敦

慶應義塾大学医学部・先端医科学研究所・がん免疫研究部門・専任講師・井上 聡

九州大学・生体防御医学研究所・メタボロミクス分野・教授 馬場健史

早稲田大学・理工学術院・生命医科学科 生命分子工学研究室・教授 竹山春子

国立がん研究センター先端医療開発センター・臨床腫瘍病理分野・ユニット長 坂下信悟

6. お問い合わせ先

本研究に関するご質問等がありましたら下記の連絡先までお問い合わせ下さい。

ご希望があれば、他の研究対象者の個人情報及び知的財産の保護に支障がない範囲内で、研究計画書及び関連資料を閲覧することが出来ますのでお申出下さい。

また、試料・情報が当該研究に用いられることについて患者さんもしくは患者さんの代理人の方にご了承いただけない場合には研究対象としませんので、下記の連絡先までお申出ください。その場合でも患者さんに不利益が生じることはありません。

照会先および研究への利用を拒否する場合の連絡先

研究代表者：河津正人

千葉県がんセンター・研究所・細胞治療開発研究部

住所 〒260-8717 千葉県千葉市中央区仁戸名町 666-2

電話番号 043-264-5431

FAX: 043-265-4459